

Toelichting

Dit document is bedoeld ter ondersteuning van GGD'en die een uitbraak onderzoek starten bij een cluster van COVID-19 patiënten minste verzameld moet worden om (al dan niet aangevuld met sequence data) conclusies te kunnen trekken over de waarden met een invulijst voor uitbraak onderzoek naar een cluster in een willekeurige setting, en één specifiek gericht op uitbraak en kan op maat aangevuld worden met andere relevante informatie. Op basis van de data in deze invulijst kan bijvoorbeeld e kunnen conclusies getrokken worden die een antwoord moeten geven op de onderzoeksvraag. Deze huidige versie is opgeste (REC) en zal waar nodig bijgewerkt worden op basis van feedback van de gebruikers en input van de REC'ers die vanaf 2021 de Voor suggesties en vragen kan de REC coördinator benaderd worden via 5.1.2e@rivm.nl.

st worden middels PCR. NB. Alleen samples met Ct<32 worden meegenomen voor sequencing

Nadere analyse van een cluster op een school - benodigde EPI-data

Definitie cluster (EPI/RIVM): 3 of meer besmettingen die te herleiden zijn naar dezelfde setting en waarbij tussen d

1. Vraagstelling en context	
Definieer de hoofdvraag die met dit clusteronderzoek beantwoord moet worden:	
Zijn er in de nabije omgeving van de school andere actieve clusters? (Zo ja, noteer situation nummer en samenvatting)	

2. Achtergrond informatie school	
Situation nummer (HP-zone)	
Naam school	
Adres school	
Type school (PO/VO, etc)	
Datum start uitbraak	
Datum einde uitbraak (indien al bekend)	
COVID-beleid school (pre-uitbraak): opvallende zaken zoals mondkapjes gebruik, afstand in pauzes?	
Advies gegeven door GGD n.a.v. de besmettingen (bijv. preventief testen, sluiting, etc)	

3. Cluster data school		Totaal (N)	Aantal met ziekte (n)
Aantal klassen			
Aantal leerlingen			
Aantal docenten			
Aantal overige medewerkers			

4. EPI-data per patiënt (tijd, plaats, persoon)			
Patiënt ID (bijv. HP-zone nr)	Leeftijd	Woonplaats	Geslacht

e eerste ziektedag van 2 besmettingen max -4 tot +14 dagen zit

nummer en samenvatting)	

Attack rate (n/N)
#DIV/0!
#DIV/0!
#DIV/0!
#DIV/0!

		Indien leerling in VO met wisselende klassensamen-stelling: profiel of vakkenpakket met meest constante samenstelling van leerlingen	Symptomen? (ja/nee)	Datum eerste ziektedag (indien van toepassing)
Functie	Klas (indien van toepassing)			

Datum positieve testuitslag	Datum laatst aanwezig op school	Intensief (=meer dan gemiddeld) contact <u>op school</u> met andere index(en) uit dit cluster? Indien ja, HP-zone nummer(s) van andere index(en) invullen	Intensief (=meer dan gemiddeld) contact <u>buiten school</u> met andere index(en) uit dit cluster? Indien ja, HP-zone nummer(s) van andere index(en) invullen

<p>Is er een <u>andere mogelijke bron (buiten dit cluster)</u> voor deze index? Indien ja, specificeer relatie tot index van deze bron, en noteer evt. HP-zone nummer(s)</p>	<p>Andere mogelijke gemeenschappelijke risicofactoren tussen de individuen voor SARS-Cov-2</p>	<p>Sample opgestuurd voor sequencing?</p>	<p>Indien sample opgestuurd voor sequencing: noteer hier sample nummer</p>
--	--	---	--

Indien niet beschikbaar kan het monster bij het betreffen

Monsterafnamedatum	Monstertype (RNA, origineel materiaal, sample in lysis buffer, E-swab)	Bewaarcondities monster	CT-waarde van sample (indien bekend)	Naam laboratorium waar sequencing plaatsvindt	CoronIT-nummer	Osirisnummer
--------------------	--	-------------------------	--------------------------------------	---	----------------	--------------

nde lab nogmaals getest worden middels PCR. NB. Alleen samples met Ct<32 worden meegenomen voor sequencing

Functie	Symptomen
Docent	Ja
Leerling	Nee
Overige medewerker	Onbekend

Geslacht
Man
Vrouw